

**第3回国際シンポジウム：農学プロテオーム研究の最前線
～プロテオミクス技術は農林水産分野の研究にいかに関与できるか～
プログラム**

平成23年11月8日（火）

- 10:00 開会挨拶
農研機構 作物研究所所長 門脇 光一
農林水産省農林水産技術会議事務局 研究調整官 高野 誠
- 10:15 経済協力開発機構・共同研究プログラム（CRP）
Rafael BLASCO（経済協力開発機構・国際共同研究プログラム科学諮問委員）
- 10:30～12:00 招待講演Ⅰ
Proteomic studies of signal transduction mechanisms
Zhi-Yong WANG（米国・カーネギー研究所）
Proteomic analysis of ABA perception and early ABA signaling mechanisms
西村宜之（農業生物資源研究所）
Proteomics approach to study metabolic regulation mediated by ubiquitin-proteasome system in Arabidopsis
山口淳二（北海道大学）
- 13:00～14:00 ポスターセッション
（一般公募の中から39課題が採択されました。）
- 14:00～17:00 招待講演Ⅱ
Studying barley seed development by spatially resolved mass spectrometrical analysis
Hans-Peter MOCK（ドイツ・ライプニッツ植物遺伝作物学研究所）
Proteomic Analysis of Seedcoats from Developing Soybean Seeds
Jan A. MIERMYK（米国・米国農務省／ミズーリー大学）
Proteomic and allergenomic analyses of rice and potato proteins
手島玲子（国立医薬品食品衛生研究所）
Cell-free protein synthesis of membrane integrated proteins for functional analysis
戸澤 謙（愛媛大学）
Proteome analysis to identify membrane microdomain proteins involved in regulation of stress-induced cell death
川合真紀（埼玉大学）

平成23年11月9日（水）

- 09:00～12:00 招待講演Ⅲ
Proteomics analysis of soybean and flax adaptation in radioactive Chernobyl area
Martin HAJDUCH（スロバキア・スロバキア科学院植物遺伝工学研究所）
Organelle proteomics of soybean in under flooding stress
小松 節子（農研機構・作物研究所）
Phosphorus starvation changes the metabolic flow in rice
信濃 卓郎（農研機構・北海道農業研究センター）
Exploring of plasma membrane proteomes in monocotyledonous plants: from a model plant to real crops
上村 松生（岩手大学）
Barley proteomics: fusarium infection, seed germination, and redox proteins
Birte SVENSSON（デンマーク・デンマーク工科大学）
- 13:00～14:00 一般講演
（一般公募の中から4演題が採択されました。）

14:00～17:00 招待講演Ⅳ

Proteomic analysis of temperature stress and drought stress in rice

Paul HAYNES (豪州・マッコーリー大学)

Involvement of endomembrane-type superoxide dismutase in high temperature stress tolerance during grain filling of rice

三ツ井敏明 (新潟大学)

Effect of surface ozone on soybean and rice production and an trial of proteome analysis for estimating sensitive cultivars

河野吉久 (電力中央研究所)

Proteome analysis and MALDI-TOF MS, a most efficient tool in agricultural molecular diagnostics

Chris FLORIDES (豪州・サターンバイオテック/マドリック大学)

Arsenic induced Proteomic Changes in a nitroge fixing cyanobacterium

Lal Chand RAI (インド・バナーラスヒンドゥー大学)

平成23年11月10日 (木)

09:00～12:00 招待講演Ⅴ

A rice blast fungal effector protein, MoCP, secreted in rice apoplast activates membrane-mediated autophagic PCD

Kyu Young KANG (韓国・慶尚大学校)

Pathogenicity of the pine wood nematode, *Bursaphelenchus xylophilus*, revealed by proteomic analysis

二井一禎 (京都大学)

Systems biology analysis of the Mexican lime tree response to “*Candidatus Phytoplasma aurantifolia*” infection

Ghasem Hosseini SALEKDEH (イラン・イラン農学工学研究所)

Gel vs gel-free, label free, approaches in the proteomic analysis of plant and fungal pathogens

Jesus V. JORRIN NOVO (スペイン・コルドバ大学)

Elucidation of plant immune signaling pathways by phosphoproteomic approaches

中神弘史 (理化学研究所)

13:00～14:00 一般講演

(一般公募の中から4演題が採択されました。)

14:00～15:30 特別企画

「プロテオミクス技術が農林水産分野の研究にいかに関与できるか」

Hans-Peter MOCK (ドイツ・ライプニッツ植物遺伝作物学研究所)

中川 仁 (農研機構・本部)

篠崎一雄 (理化学研究所)

15:30～15:50 ポスター賞授賞式

(ポスター発表者の中から4課題が採択されます。)

15:50 閉会挨拶 農研機構 バイオマス研究統括監 (OECD SAB スペシャルアドバイザー)

中川 仁